

データ解析  
Rによる多変量解析入門  
(5) 確率変数，回帰分析(II)

確率变数

# 確率変数，確率分布関数，確率密度関数 (random variable, distribution function, density function)

- 実数値確率変数  $X$ ，その実現値  $x$

$$\text{確率分布関数} \quad F_X(x) = \Pr\{X \leq x\}$$

$$\text{確率密度関数} \quad f_X(x) = \frac{dF_X}{dx}$$

- 集合  $A$  にたいして

$$\Pr\{X \in A\} = \int_A f_X(x) dx = \int I_A(x) f_X(x) dx$$

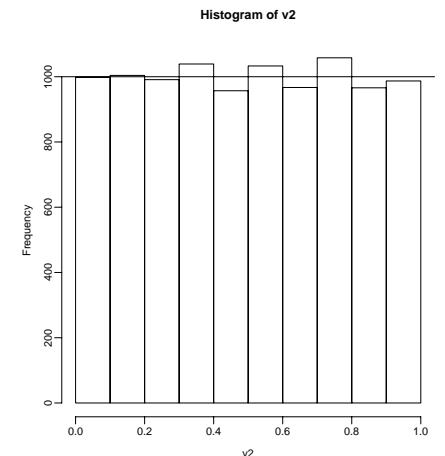
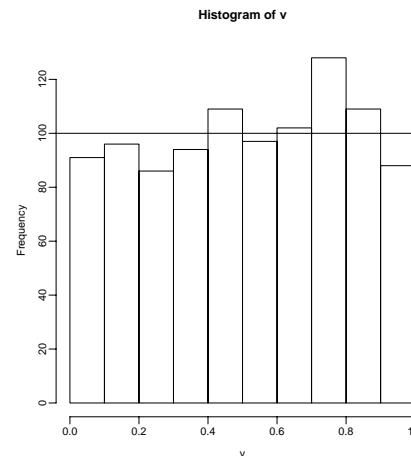
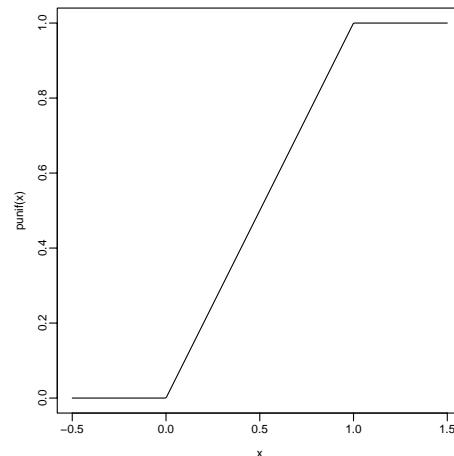
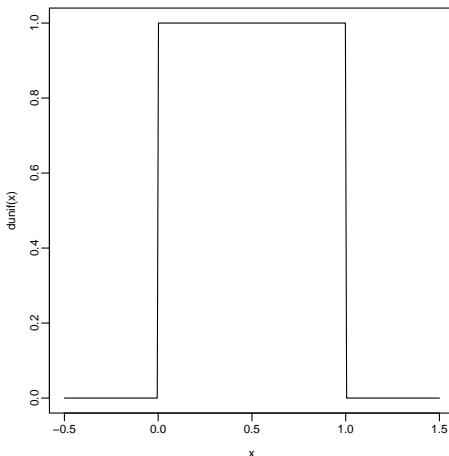
- とくに  $A = (-\infty, a]$  なら

$$\Pr\{X \in A\} = \int_{-\infty}^a f_X(x) dx = F_X(a)$$

# 一様分布 (uniform distribution)

- 区間 $(a, b)$ の一様分布:  $U(a, b)$

$$f_X(x) = \begin{cases} \frac{1}{b-a} & a < x < b \\ 0 & x \leq a, \text{ or } x \geq b \end{cases}$$
$$F_X(x) = \begin{cases} 0 & x \leq a \\ \frac{x-a}{b-a} & a < x < b \\ 1 & x \geq b \end{cases}$$



$$a = 0, b = 1$$

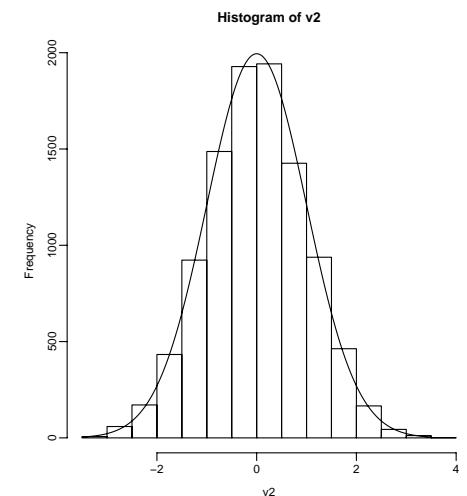
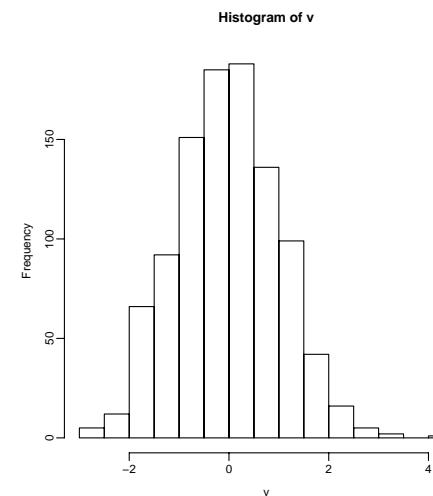
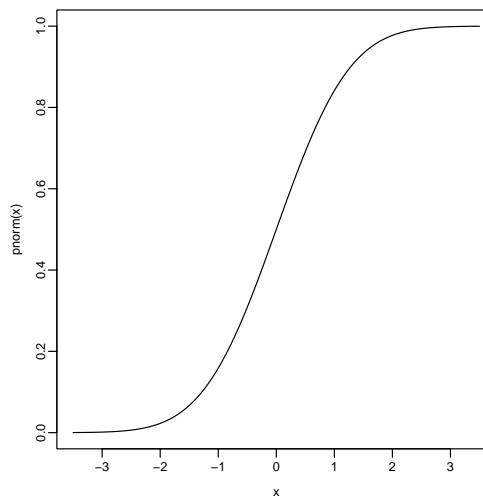
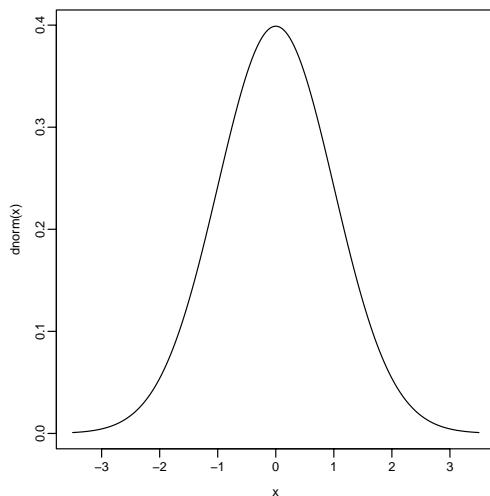
```
> ### 一様分布
> help(dunif)
> x <- seq(-0.5,1.5,length=300)
> plot(x,dunif(x),type="l")
> plot(x,punif(x),type="l")
> v <- runif(1000)
> hist(v,nclass=10)
> abline(h=100)
> v2 <- runif(10000)
> hist(v2,nclass=10)
> abline(h=1000)
> sum(v<=0.1) / length(v)
[1] 0.091
> sum(v2<=0.1) / length(v2)
[1] 0.0998
```

# 正規分布 (normal distribution)

- 平均 $a$ ，分散 $b$ の正規分布:  $N(a, b)$

$$f_X(x) = \frac{1}{\sqrt{2\pi b}} \exp\left(-\frac{(x-a)^2}{2b}\right)$$

$$F_X(x) = \int_{-\infty}^x f_X(s) ds$$



$$a = 0, b = 1$$

```
> ### 正規分布
> help(dnorm)
> x <- seq(-3.5,3.5,length=300)
> plot(x,dnorm(x),type="l")
> plot(x,pnorm(x),type="l")
> v <- rnorm(1000)
> hist(v,nclass=20)
> v2 <- rnorm(10000)
> hist(v2,nclass=20)
> lines(x,dnorm(x)*0.5*10000)
> sum(v<=-2) / length(v)
[1] 0.017
> sum(v2<=-2) / length(v2)
[1] 0.0237
> pnorm(-2)
[1] 0.02275013
```

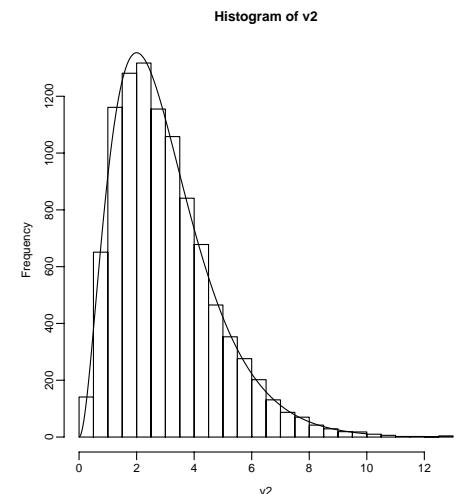
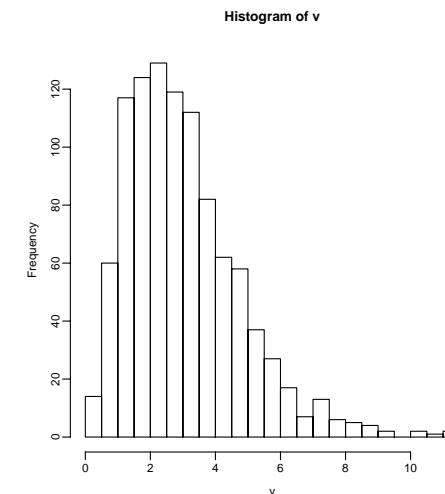
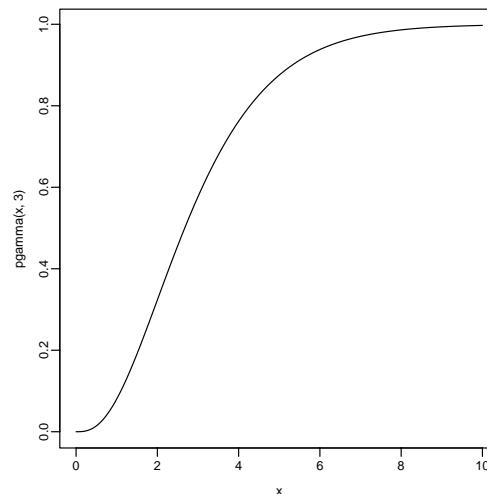
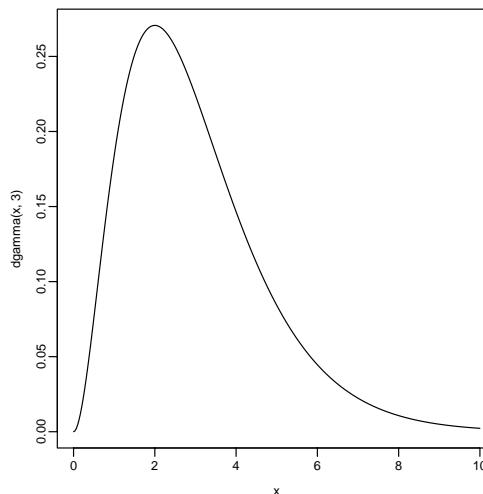
# ガンマ分布 (gamma distribution)

- **shape**  $a$ , **scale**  $s$  のガンマ分布:  $Ga(a, s)$

$$f_X(x) = \frac{1}{s\Gamma(a)} \left(\frac{x}{s}\right)^{a-1} \exp\left(-\frac{x}{s}\right), \quad x > 0$$

$$\Gamma(a) = \int_0^\infty x^{a-1} \exp(-x) dx$$

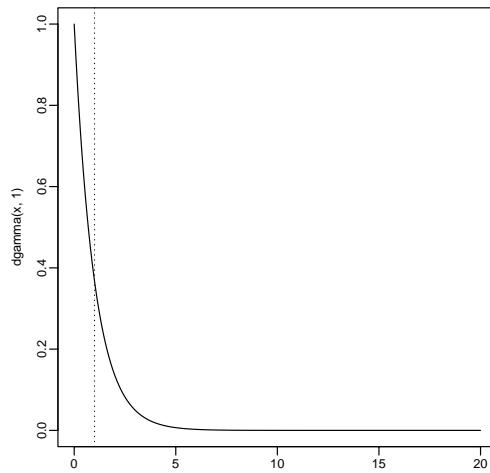
$$\Gamma(n) = (n - 1)!$$



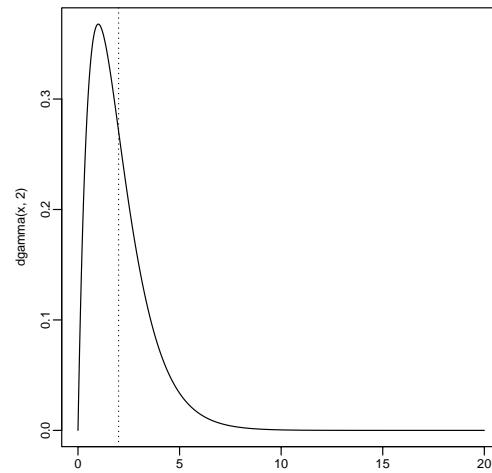
$$a = 3, s = 1$$

```
> ### ガンマ分布
> help(dgamma)
> x <- seq(0,10,length=300)
> gamma(3)
[1] 2
> plot(x,dgamma(x,3),type="l")
> plot(x,pgamma(x,3),type="l")
> v <- rgamma(1000,3)
> hist(v,nclass=20)
> v2 <- rgamma(10000,3)
> hist(v2,nclass=20)
> lines(x,dgamma(x,3)*0.5*10000)
> sum(v>7) / length(v)
[1] 0.035
> sum(v2>7) / length(v2)
[1] 0.029
> 1-pgamma(7,3)
[1] 0.02963616
```

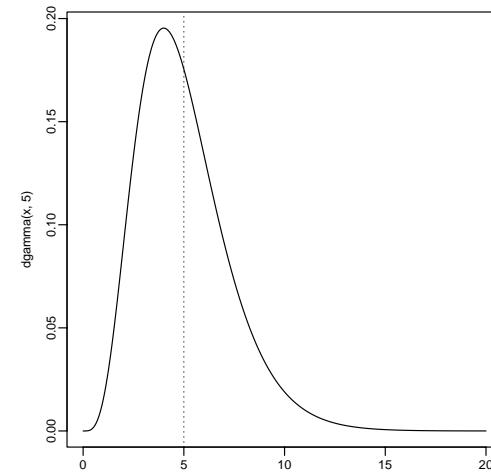
# ガンマ分布のshapeを変える( $s = 1$ )



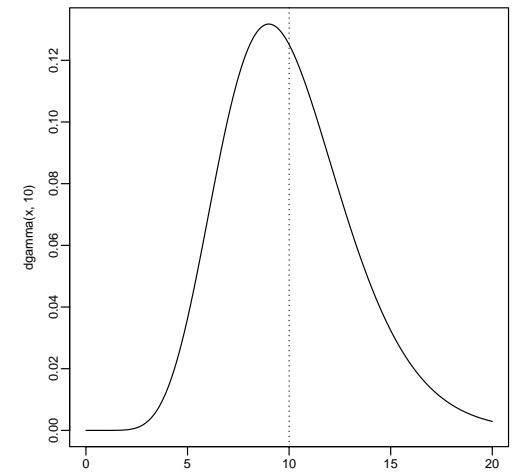
$$a = 1$$



$$a = 2$$



$$a = 5$$



$$a = 10$$

- 期待値(平均値)

$$E(X) = \int_0^\infty x f_X(x) dx = as$$

- 分散

$$V(X) = \int_0^\infty (x - E(X))^2 f_X(x) dx = as^2$$

```
> ## ガンマ関数( shapeを変えてみる )
> x <- seq(0,20,length=500)
> plot(x,dgamma(x,1),type="l"); abline(v=1,lty=3)
> plot(x,dgamma(x,2),type="l"); abline(v=2,lty=3)
> plot(x,dgamma(x,5),type="l"); abline(v=5,lty=3)
> plot(x,dgamma(x,10),type="l"); abline(v=10,lty=3)
> v <- rgamma(100000,1); c(mean(v),var(v))
[1] 1.001625 1.011608
> v <- rgamma(100000,2); c(mean(v),var(v))
[1] 2.004979 2.012081
> v <- rgamma(100000,5); c(mean(v),var(v))
[1] 5.000123 5.007556
> v <- rgamma(100000,10); c(mean(v),var(v))
[1] 10.00437 10.08082
```

# カイ二乗分布 (chi-squared distribution)

- 自由度(degrees of freedom)が $n$ の $\chi^2$ 分布:  $\chi_n^2$

$$f_X(x) = \frac{1}{2\Gamma(n/2)} \left(\frac{x}{2}\right)^{n/2-1} \exp\left(-\frac{x}{2}\right), \quad x > 0$$

奇数の $n$ に対して

$$\Gamma(n/2) = \frac{(n-2)!!\sqrt{\pi}}{2^{(n-1)/2}}, \quad (n-2)!! = (n-2)(n-4)\cdots$$

$$\Gamma(\frac{1}{2}) = \sqrt{\pi}, \Gamma(\frac{3}{2}) = \frac{1}{2}\sqrt{\pi}, \Gamma(\frac{5}{2}) = \frac{3}{4}\sqrt{\pi}$$

- カイ二乗分布はガンマ分布の一例

$Ga(n/2, 2)$ つまり **shape**: $a = n/2$ , **scale**: $s = 2$  のガンマ分布

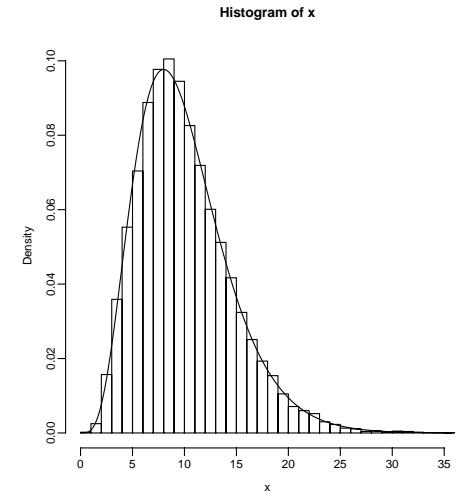
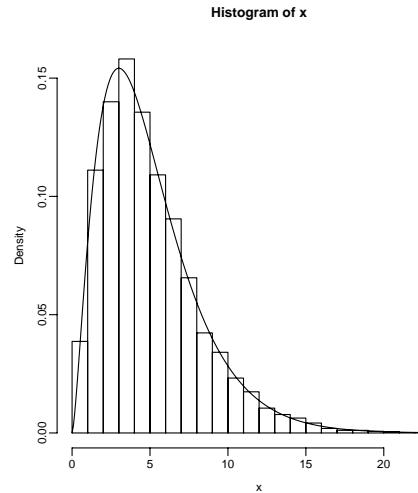
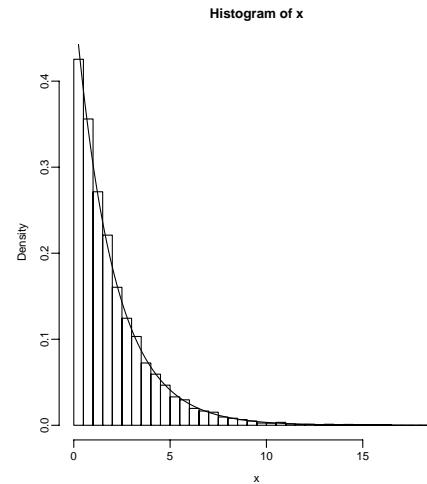
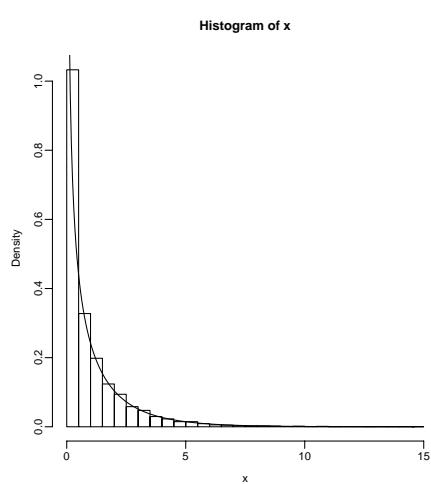
- 「 $n$ に正の実数を許してスケールを調整したカイ二乗分布」がガンマ分布であると言うこともできる。

# 正規分布とカイ二乗分布の関係

$$Z_1, Z_2, \dots, Z_n \sim N(0, 1) \quad \text{i.i.d.}$$

$$X = Z_1^2 + Z_2^2 + \dots + Z_n^2$$

$$X \sim \chi_n^2$$



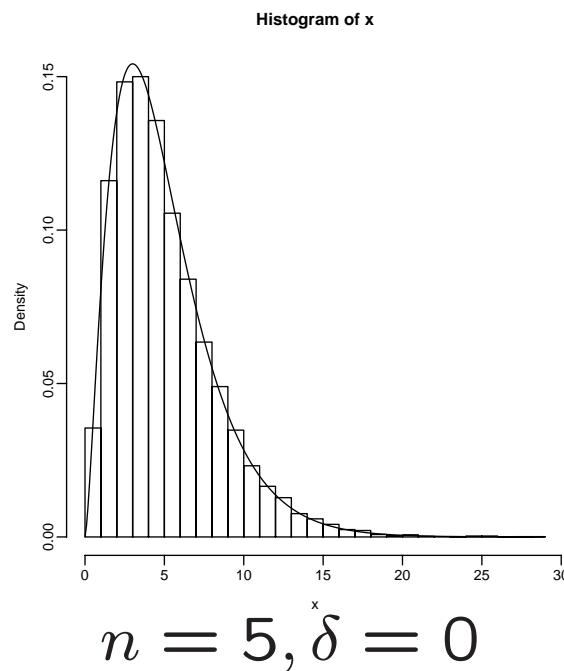
```
> ### 正規分布とカイ二乗分布の関係  
> n <- 1; x <- matrix(rnorm(10000*n),n);  
> y <- apply(x,2,function(v) sum(v*v)); xx <- seq(0,max(y),length=300)  
> hist(y,prob=T,nclass=30); lines(xx,dchisq(xx,n))  
  
> n <- 2; x <- matrix(rnorm(10000*n),n);  
> y <- apply(x,2,function(v) sum(v*v)); xx <- seq(0,max(y),length=300)  
> hist(y,prob=T,nclass=30); lines(xx,dchisq(xx,n))  
  
> n <- 5; x <- matrix(rnorm(10000*n),n);  
> y <- apply(x,2,function(v) sum(v*v)); xx <- seq(0,max(y),length=300)  
> hist(y,prob=T,nclass=30); lines(xx,dchisq(xx,n))  
  
> n <- 10; x <- matrix(rnorm(10000*n),n);  
> y <- apply(x,2,function(v) sum(v*v)); xx <- seq(0,max(y),length=300)  
> hist(y,prob=T,nclass=30); lines(xx,dchisq(xx,n))
```

# 非心カイ二乗分布

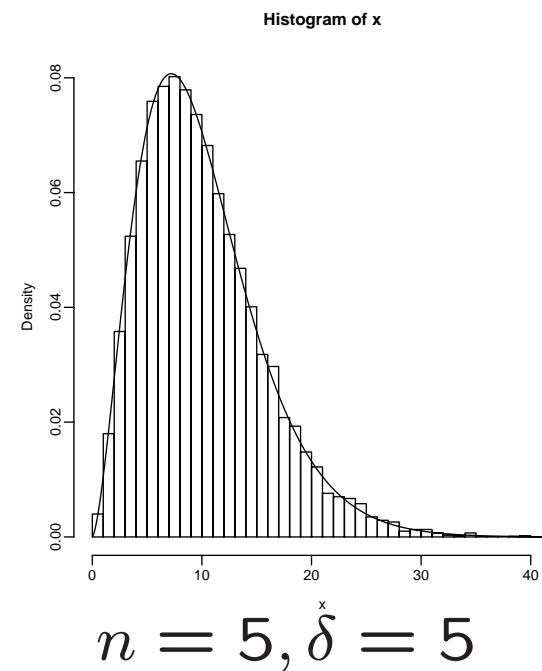
$$Z_i \sim N(a_i, 1), \quad i = 1, \dots, n \quad (\text{独立})$$

$$X = Z_1^2 + Z_2^2 + \dots + Z_n^2$$

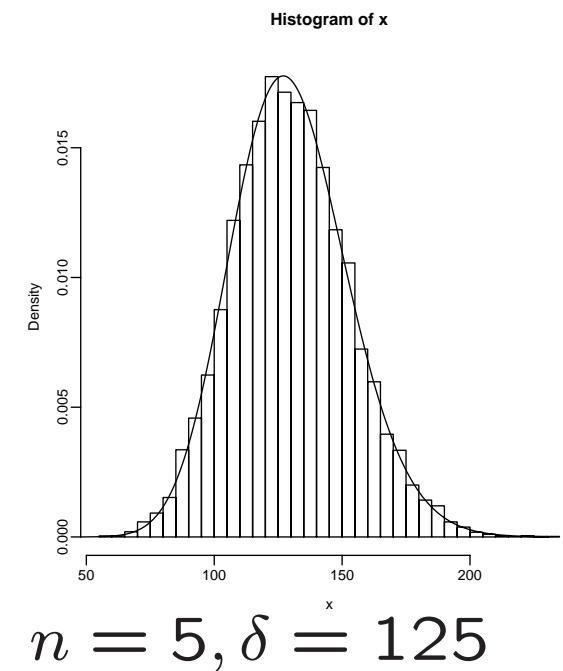
$$X \sim \chi_n^2(\delta), \quad \delta = a_1^2 + \dots + a_n^2$$



$(a_i = 0)$



$(a_i = 1)$



$(a_i = 5)$

```
> ### 非心力イニ乗分布  
> n <- 5; a <- 0; z<- matrix(rnorm(10000*n)+a,n)  
> x<- apply(z,2,function(v) sum(v*v)); zz <- seq(0,max(x),length=300)  
> hist(x,prob=T,nclass=30); lines(zz,dchisq(zz,n,ncp=n*a^2))  
  
> n <- 5; a <- 1; z<- matrix(rnorm(10000*n)+a,n)  
> x<- apply(z,2,function(v) sum(v*v)); zz <- seq(0,max(x),length=300)  
> hist(x,prob=T,nclass=30); lines(zz,dchisq(zz,n,ncp=n*a^2))  
  
> n <- 5; a <- 5; z<- matrix(rnorm(10000*n)+a,n)  
> x<- apply(z,2,function(v) sum(v*v)); zz <- seq(0,max(x),length=300)  
> hist(x,prob=T,nclass=30); lines(zz,dchisq(zz,n,ncp=n*a^2))
```

# 再生性(reproductivity)

- $X_1 \sim N(a_1, b_1), X_2 \sim N(a_2, b_2)$ ; (互いに独立)

$$X_1 + X_2 \sim N(a_1 + a_2, b_1 + b_2)$$

- $X_1 \sim Ga(a_1, s), X_2 \sim Ga(a_2, s)$ ; (互いに独立)

$$X_1 + X_2 \sim Ga(a_1 + a_2, s)$$

- $X_1 \sim \chi^2_{n_1}, X_2 \sim \chi^2_{n_2}$ ; (互いに独立)

$$X_1 + X_2 \sim \chi^2_{n_1+n_2}$$

カイ二乗分布の再生性は以下のように理解できる

$$(Z_1^2 + \cdots + Z_{n_1}^2) + (Z_{n_1+1}^2 + \cdots + Z_{n_1+n_2}^2) = Z_1^2 + \cdots + Z_{n_1+n_2}^2$$

一般的には「特性関数」を使って簡単に証明できる

## $F$ 分布

$$X_1 \sim \chi_{n_1}^2, \quad X_2 \sim \chi_{n_2}^2 \quad \text{互いに独立}$$

$$Y = \frac{X_1/n_1}{X_2/n_2}$$

このとき  $Y$  は自由度  $(n_1, n_2)$  の  $F$  分布に従う .

$$f_Y(y) = \frac{1}{B(n_1/2, n_2/2)} \left( \frac{n_1}{n_2} \right)^{n_1/2} \left( 1 + \frac{n_1}{n_2} y \right)^{-(n_1+n_2)/2} y^{n_1/2-1}$$

$$B(a, b) = \frac{\Gamma(a)\Gamma(b)}{\Gamma(a+b)}$$

```
> n1 <- 1; n2 <- 10; x1 <- rchisq(10000,n1); x2 <- rchisq(10000,n2)
> y <- (x1/n1)/(x2/n2) ; yy <- seq(0,max(y),length=300)
```

```
> hist(y,prob=T,breaks=100); lines(yy,df(yy,n1,n2))

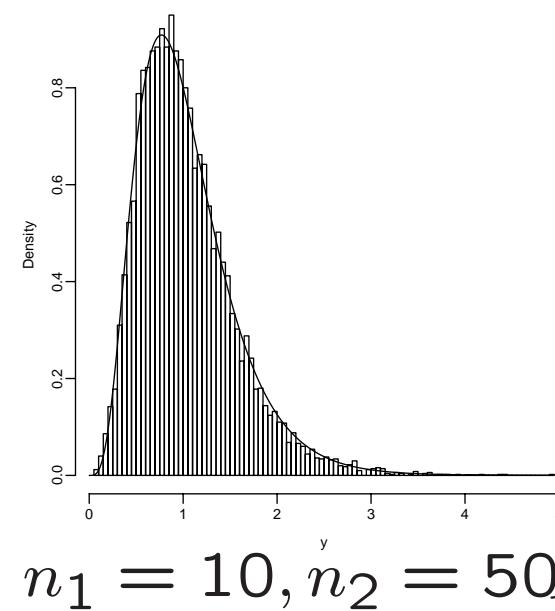
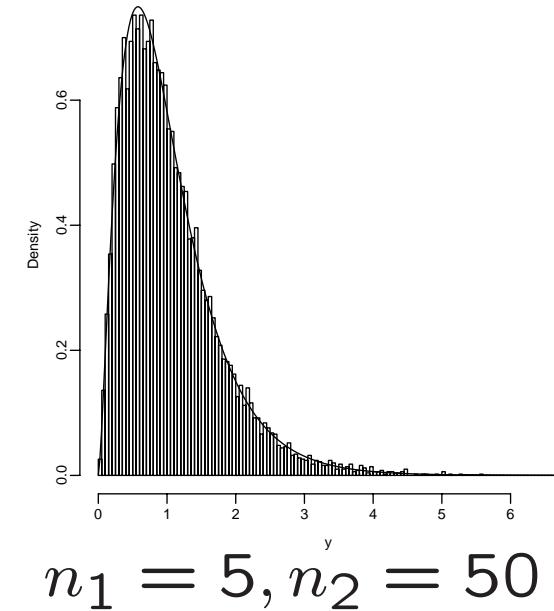
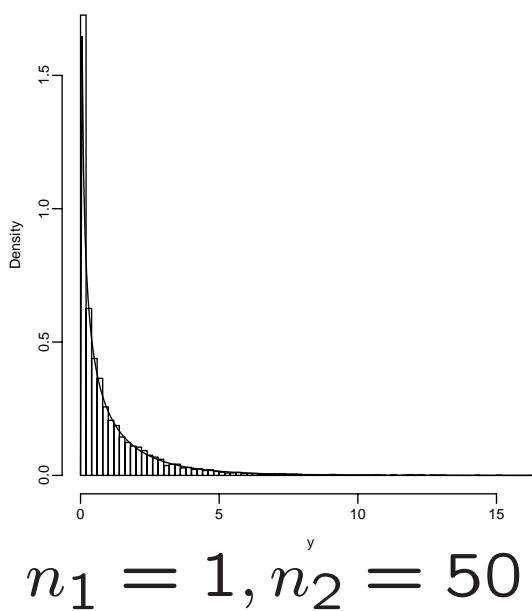
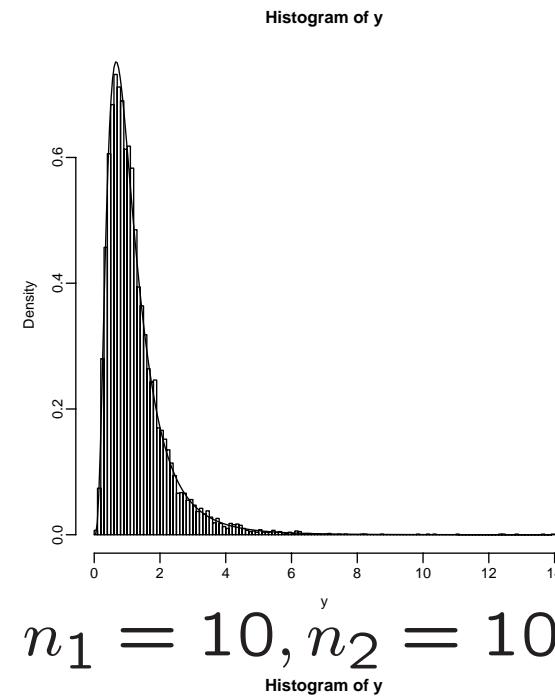
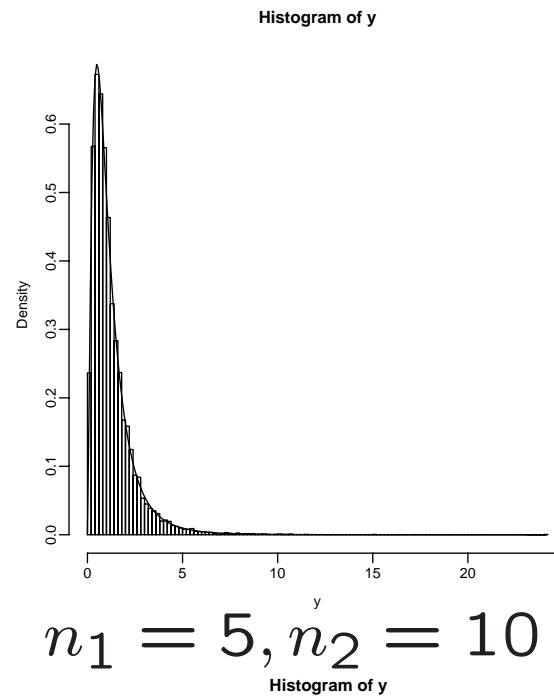
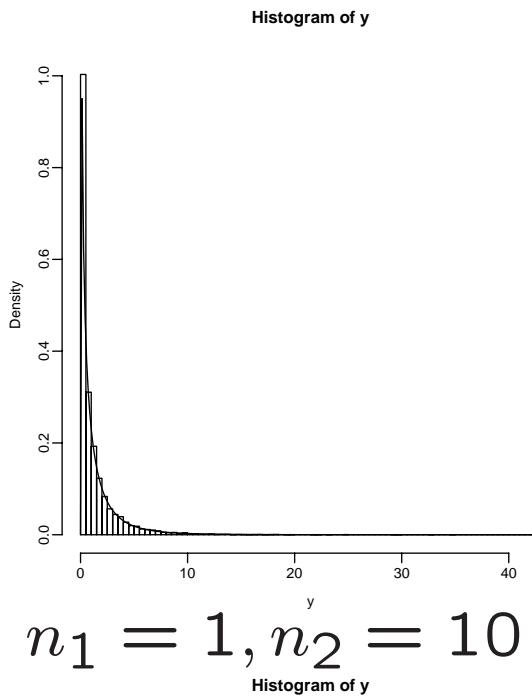
> n1 <- 5; n2 <- 10; x1 <- rchisq(10000,n1); x2 <- rchisq(10000,n2)
> y <- (x1/n1)/(x2/n2) ; yy <- seq(0,max(y),length=300)
> hist(y,prob=T,breaks=100); lines(yy,df(yy,n1,n2))

> n1 <- 10; n2 <- 10; x1 <- rchisq(10000,n1); x2 <- rchisq(10000,n2)
> y <- (x1/n1)/(x2/n2) ; yy <- seq(0,max(y),length=300)
> hist(y,prob=T,breaks=100); lines(yy,df(yy,n1,n2))

> n1 <- 1; n2 <- 50; x1 <- rchisq(10000,n1); x2 <- rchisq(10000,n2)
> y <- (x1/n1)/(x2/n2) ; yy <- seq(0,max(y),length=300)
> hist(y,prob=T,breaks=100); lines(yy,df(yy,n1,n2))

> n1 <- 5; n2 <- 50; x1 <- rchisq(10000,n1); x2 <- rchisq(10000,n2)
> y <- (x1/n1)/(x2/n2) ; yy <- seq(0,max(y),length=300)
> hist(y,prob=T,breaks=100); lines(yy,df(yy,n1,n2))

> n1 <- 10; n2 <- 50; x1 <- rchisq(10000,n1); x2 <- rchisq(10000,n2)
> y <- (x1/n1)/(x2/n2) ; yy <- seq(0,max(y),length=300)
> hist(y,prob=T,breaks=100); lines(yy,df(yy,n1,n2))
```



## $t$ 分布

$$Z \sim N(0, 1), \quad X \sim \chi_n^2 \quad \text{互いに独立}$$

$$Y = \frac{Z}{\sqrt{X/n}}$$

このとき  $Y$  は自由度  $n$  の  $t$  分布に従う。

$$f_Y(y) = \frac{\Gamma(\frac{n+1}{2})}{\sqrt{\pi n} \Gamma(\frac{n}{2})} \left(1 + \frac{y^2}{n}\right)^{-(n+1)/2}$$

なお  $Y^2$  は自由度  $(1, n)$  の  $F$  分布に従う。

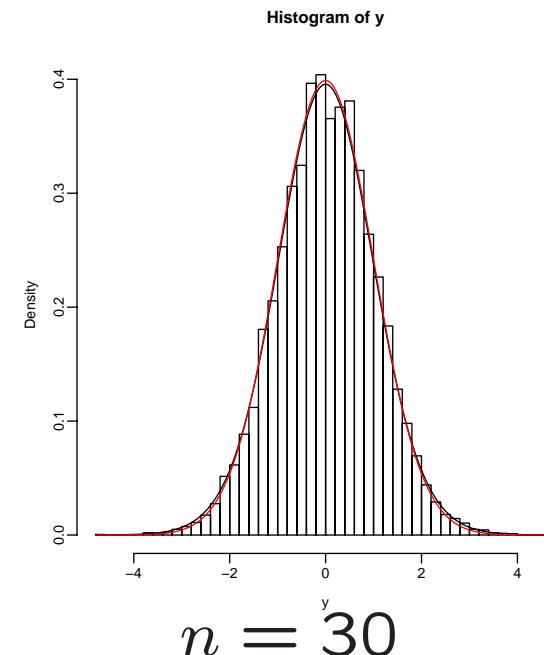
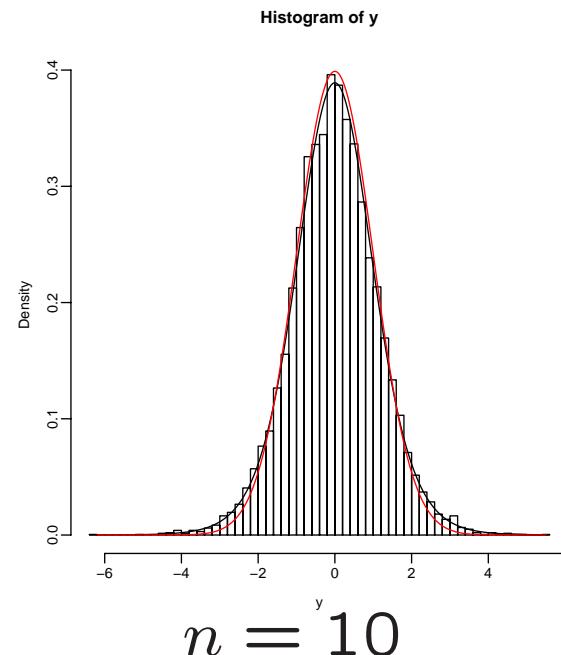
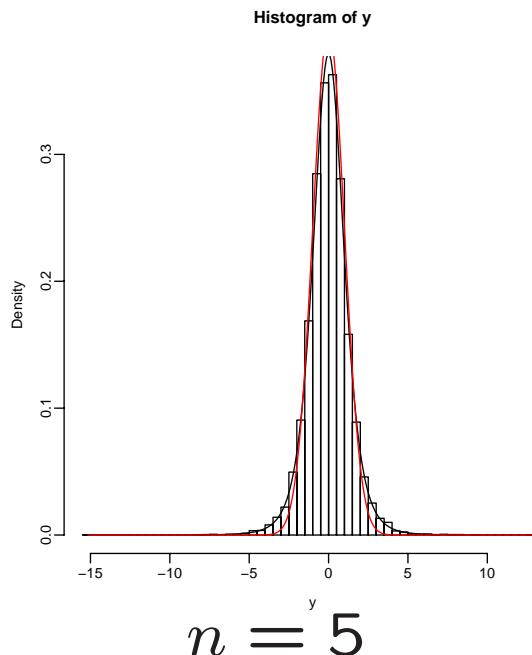
```
> ### t分布
> n <- 5; z <- rnorm(10000); x <- rchisq(10000,n); y <- z/sqrt(x/n)
> yy <- seq(min(y),max(y),length=300)
> hist(y,prob=T,nclass=50);lines(yy,dt(yy,n));lines(yy,dnorm(yy),col=2)
```

```

> n <- 10; z <- rnorm(10000); x <- rchisq(10000,n); y <- z/sqrt(x/n)
> yy <- seq(min(y),max(y),length=300)
> hist(y,prob=T,nclass=50);lines(yy,dt(yy,n));lines(yy,dnorm(yy),col=2)

> n <- 30; z <- rnorm(10000); x <- rchisq(10000,n); y <- z/sqrt(x/n)
> yy <- seq(min(y),max(y),length=300)
> hist(y,prob=T,nclass=50);lines(yy,dt(yy,n));lines(yy,dnorm(yy),col=2)

```



## 回帰分析 (II)

# 確率モデル

- 重回帰モデル

$$y_i = \beta_0 + \beta_1 x_{i1} + \beta_2 x_{i2} + \cdots + \beta_p x_{ip} + \epsilon_i; \quad i = 1, \dots, n$$

$$\epsilon_1, \dots, \epsilon_n \sim N(0, \sigma^2) \quad \text{i.i.d.}$$

c.f.  $\text{cov}(\epsilon_i, \epsilon_j) = 0$  for  $i \neq j$

- ベクトル表現

$$\mathbf{y} = \mathbf{X}\boldsymbol{\beta} + \boldsymbol{\epsilon}, \quad \boldsymbol{\epsilon} \sim N_n(\mathbf{0}, \sigma^2 \mathbf{I}_n)$$

- モデルのパラメータ（母数）

$$\beta_0, \beta_1, \dots, \beta_p, \sigma^2$$

# 多変量正規分布

- $x_1, \dots, x_n \sim N(0, \sigma^2)$  が互いに独立なら

$$\begin{aligned} f_n(\mathbf{x}) &= f(x_1) \cdots f(x_n) \\ &= \frac{1}{\sqrt{(2\pi\sigma^2)^n}} \exp \left[ -\sum_{i=1}^n \frac{x_i^2}{2\sigma^2} \right] \end{aligned}$$

- 平均ベクトル  $\mu$  , 共分散行列  $\Sigma$  の多変量正規分布

$$\mathbf{x} \sim N_n(\boldsymbol{\mu}, \boldsymbol{\Sigma})$$

$$f_n(\mathbf{x}; \boldsymbol{\mu}, \boldsymbol{\Sigma}) = (2\pi)^{-n/2} |\boldsymbol{\Sigma}|^{-1/2} \exp \left[ -\frac{1}{2} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu})' \boldsymbol{\Sigma}^{-1} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}) \right]$$

$n \times n$  行列  $\boldsymbol{\Sigma} = (\sigma_{ij})$  の成分  $\sigma_{ij}$  は  $x_i$  と  $x_j$  の共分散

- $x_1, \dots, x_n \sim N(0, \sigma^2)$  が互いに独立なら

$$\mathbf{x} \sim N_n(0, \sigma^2 \mathbf{I}_n)$$

## 回帰係数の分布

$$\begin{aligned}\hat{\beta} &= (X'X)^{-1}X'y \\ &= (X'X)^{-1}X'(X\beta + \epsilon) \\ &= \beta + (X'X)^{-1}X'\epsilon\end{aligned}$$

定理：（多変量）正規分布に従う確率変数を線形変換しても正規分布に従う

$$E(\hat{\beta}) = \beta + (X'X)^{-1}X'E(\epsilon) = \beta$$

$$\begin{aligned}V(\hat{\beta}) &= E\left((\hat{\beta} - \beta)(\hat{\beta} - \beta)'\right) \\ &= E\left[\left\{(X'X)^{-1}X'\epsilon\right\}\left\{(X'X)^{-1}X'\epsilon\right\}'\right] \\ &= (X'X)^{-1}X'E(\epsilon\epsilon')X(X'X)^{-1} \\ &= \sigma^2(X'X)^{-1}\end{aligned}$$

$$\hat{\beta} \sim N_p(\beta, \sigma^2(X'X)^{-1})$$

# QR分解と直交補空間

$$X = QR$$

$Q = [q_0, \dots, q_p]$  は  $n \times (p+1)$  行列 . これに直交する  $q_{p+1}, \dots, q_{n-1}$  を用意して  $Q^\perp = [q_{p+1}, \dots, q_{n-1}]$  とする

$$\tilde{Q} = [Q, Q^\perp] = [q_0, \dots, q_{n-1}], \quad \tilde{Q}'\tilde{Q} = I_n$$

$$QQ' + Q^\perp Q^{\perp'} = I_n$$

$$\hat{y} = X(X'X)^{-1}X'y = QQ'y = \hat{\gamma}_0 q_0 + \dots + \hat{\gamma}_p q_p$$

$$e = y - \hat{y} = (I_n - QQ')y = Q^\perp Q^{\perp'}y = \hat{\gamma}_{p+1} q_{p+1} + \dots + \hat{\gamma}_n q_n$$

$$\hat{\gamma}_i = q_i'y, \quad i = 1, \dots, n$$

# QR分解と回帰係数の分布

$$\hat{\gamma}_i = \mathbf{q}'_i \mathbf{y} = \mathbf{q}'_i (\mathbf{X}\boldsymbol{\beta} + \boldsymbol{\epsilon}) = \gamma_i + \mathbf{q}'_i \boldsymbol{\epsilon}, \quad \boldsymbol{\epsilon} \sim N_n(\mathbf{0}, \sigma^2 \mathbf{I}_n)$$

$$\gamma_i = \mathbf{q}'_i \mathbf{X}\boldsymbol{\beta} = \mathbf{q}'_i \mathbf{Q}\mathbf{R}\boldsymbol{\beta} = \begin{cases} \sum_{j=i}^p r_{ij} \beta_j & i = 0, \dots, p \\ 0 & i = p+1, \dots, n \end{cases}$$

$$E(\hat{\gamma}_i) = \gamma_i$$

$$\text{cov}(\hat{\gamma}_i, \hat{\gamma}_j) = E\{(\hat{\gamma}_i - \gamma_i)(\hat{\gamma}_j - \gamma_j)\} = \mathbf{q}'_i E\{\boldsymbol{\epsilon}\boldsymbol{\epsilon}'\} \mathbf{q}_j = \sigma^2 \delta_{ij}$$

$$\hat{\boldsymbol{\gamma}} \sim N_n(\boldsymbol{\gamma}, \sigma^2 \mathbf{I}_n)$$

モデル( $k$ )

$$\gamma_{k+1} = \cdots = \gamma_n = 0$$

# QR分解と部分回帰

- モデル( $p$ )

$$\hat{y} = \hat{\gamma}_0 q_0 + \cdots + \hat{\gamma}_p q_p$$

- モデル( $k$ )

$$Q^{(k)} = [q_0, \dots, q_k]$$

$$\gamma^{(k)} = Q^{(k)\prime} y = \begin{bmatrix} \hat{\gamma}_0 \\ \vdots \\ \hat{\gamma}_k \end{bmatrix}, \quad \hat{\gamma}_i = q_i' y$$

$$\hat{y}^{(k)} = Q^{(k)} Q^{(k)\prime} y = Q^{(k)} \hat{\gamma}^{(k)} = \hat{\gamma}_0 q_0 + \cdots + \hat{\gamma}_k q_k$$

$$e^{(k)} = y - \hat{y}^{(k)} = (I_n - Q^{(k)} Q^{(k)\prime}) y = \hat{\gamma}_{k+1} q_{k+1} + \cdots + \hat{\gamma}_n q_n$$

- モデル(0)

$$\bar{y} \mathbf{1}_n = \hat{\gamma}_0 q_0$$

# 残差平方和 (residual sum of squares)

- モデル( $k$ )

$$RSS^{(k)} = \|e^{(k)}\|^2 = \hat{\gamma}_{k+1}^2 + \cdots + \hat{\gamma}_n^2$$

もしモデル( $k$ )が正しければ  $\gamma_{k+1} = \cdots = \gamma_n = 0$  なので

$$RSS^{(k)} / \sigma^2 \sim \chi_{n-k-1}^2$$

一般には非心度  $\sum_{i=k+1}^n \gamma_i^2 / \sigma^2$  の非心カイ二乗分布

- 残差の推定 (モデル( $p$ )が正しいと仮定して)

$$E(RSS^{(p)}) = \sigma^2(n - p - 1)$$

を利用して

$$\hat{\sigma}^2 = \frac{RSS^{(p)}}{n - p - 1}$$

## モデル( $k$ )の検定

$$\frac{RSS^{(k)} - RSS^{(p)}}{\sigma^2} = \frac{\hat{\gamma}_{k+1}^2 + \cdots + \hat{\gamma}_p^2}{\sigma^2} \sim \chi_{p-k}^2(\delta)$$

$$\delta = \frac{\gamma_{k+1}^2 + \cdots + \gamma_p^2}{\sigma^2}$$

$$\frac{RSS^{(p)}}{\sigma^2} = \frac{\hat{\gamma}_{p+1}^2 + \cdots + \hat{\gamma}_n^2}{\sigma^2} \sim \chi_{n-p-1}^2$$

もしモデル( $k$ )が正しい，すなわち  $\delta = 0$  ならば

$$F = \frac{(RSS^{(k)} - RSS^{(p)})/(p - k)}{RSS^{(p)}/(n - p - 1)} \sim F_{p-k, n-p-1}$$

もし  $\delta > 0$  ならば  $F$  分布から予想されるより実際の  $F$  は大きくなる傾向

$$\text{確率値 (p-value)} = \Pr\{X > F\}, \quad X \sim F_{p-k, n-p-1}$$

もし確率値が有意水準(5%)より小さければ仮説(モデル)を棄却

## モデル(0)の検定

$F$  統計量は

$$\begin{aligned} F &= \frac{(RSS^{(0)} - RSS^{(p)})/p}{RSS^{(p)}/(n - p - 1)} \\ &= \frac{\hat{\gamma}_1^2 + \cdots + \hat{\gamma}_p^2}{\hat{\gamma}_{p+1}^2 + \cdots + \hat{\gamma}_n^2} \times \frac{n - p - 1}{p} \\ &= \frac{R^2}{1 - R^2} \times \frac{n - p - 1}{p} \end{aligned}$$

ただし  $R^2$  はモデル( $p$ )の決定係数，すなわち重相関係数の二乗

$$R^2 = \frac{\hat{\gamma}_1^2 + \cdots + \hat{\gamma}_p^2}{\hat{\gamma}_1^2 + \cdots + \hat{\gamma}_n^2}$$

帰無仮説（モデル(0)）が正しいとき  $F$  統計量は自由度  $(p, n - p - 1)$  の  $F$  分布に従う

すでにX, yが準備されているとして

```
f <- mylsfit(X,y) # 回帰分析  
r2 <- cor(y,f$pred)^2 # 決定係数の計算  
fs <- (r2/(1-r2)) * (nrow(X)-ncol(X)-1)/ncol(X) # F統計量  
pv <- pf(fs,ncol(X),nrow(X)-ncol(X)-1,lower=F) # 確率値
```

得られたr2, fs, pvをf\$fsummaryの内容と比較してみよ .

## モデル( $p - 1$ )の検定

$$F = \frac{(RSS^{(p-1)} - RSS^{(p)})}{RSS^{(p)} / (n - p - 1)} = \frac{\hat{\gamma}_p^2}{\hat{\sigma}^2} = t^2$$

ただし

$$t = \frac{\hat{\beta}_p}{\hat{\sigma}/|r_{pp}|}, \quad \hat{\gamma}_p = r_{pp}\hat{\beta}_p$$

- 帰無仮説( モデル( $p - 1$ ) )が正しいとき  $F$  統計量は自由度  $(1, n - p - 1)$  の  $F$  分布に従う . また  $t$  統計量は自由度  $n - p - 1$  の  $t$  分布に従う . この事実を使って回帰係数  $\beta_p$  の有意性検定をする .
- 仮想的に回帰係数の順序を並べ替えればすべての  $\beta_0, \dots, \beta_p$  について同様の検定が行える . 注意 :  $(X'X)^{-1}$  の一番右下の要素を  $a$  とおくと ,  $r_{pp} = \pm 1/\sqrt{a}$  の関係がある .

すでに X, y が準備されているとして

```
X1 <- cbind(1,X) # 定数項の列を加える
a <- diag(solve(t(X1) %*% X1)) # すべての回帰係数の「a」
1/sqrt(a) # この最後の要素と R 行列の右下の要素は符号を除いて等しい
qr.R(qr(X1)) # R 行列
f <- mylsfit(X,y) # 回帰分析
s2 <- sum(f$resid^2)/(nrow(X)-ncol(X)-1) # 残差の分散の推定
ts <- f$coef/sqrt(s2*a) # すべての回帰係数の t 統計量
pv <- pt(abs(ts),nrow(X)-ncol(X)-1,lower=F)*2 # 確率値
```

得られた ts, pv を f\$tsummary の内容と比較してみよ .

## 第5回 課題

1. 平均ベクトルと共分散行列が次のように与えられる 2 次元正規分布に従う確率変数  $x$  を 10000 個生成し，サイズ  $2 \times 10000$  の行列に代入せよ．

$$\mu = \begin{bmatrix} 10 \\ 20 \end{bmatrix}, \quad \Sigma = \begin{bmatrix} 1 & 0.5 \\ 0.5 & 2 \end{bmatrix}$$

ヒント： コレスキー分解  $\Sigma = R'R$  と  $z \sim N_2(0, I_2)$  から  $x = R'z + \mu$  と書ける．

2. 上記の確率変数の成分の和  $y = x_1 + x_2$  のヒストグラムを `hist(y, prob=T)` などを使って書き，そこに  $y$  の確率密度関数の理論曲線を重ね合わせて表示せよ．

3. 適当な自由度のカイ二乗分布に従う確率変数を 2 種類以上生成し，それらの和が再びカイ二乗分布になることをヒストグラムと確率密度関数の理論曲線を使って例示せよ．

4. まず次のようにデータ  $(x_i, y_i), i = 1, \dots, n$  を生成し，これに 3 次の多項式回帰モデルを当てはめ推定した回帰係数を示せ。データの散布図に推定した曲線を重ねて表示せよ。

```
n <- 30 # データ数 n = 30  
x <- runif(n,min=-3,max=3) # x ~ U(-3,3) を n 個生成  
y <- 3 + 2*x + x^2 # 理論式を y = 3 + 2x + x^2 とする  
y <- y + rnorm(n,mean=0,sd=1) # 誤差を N(0,1) とする。
```

5. 上記のデータについて決定係数  $R^2$  を計算せよ。「モデル(0)の検定」を行い，その  $F$  統計量と確率値を示せ。それを f\$fsummary と比較せよ。

6. 上記のデータについてすべての回帰係数の有意性を検定せよ。 $t$  統計量と確率値を示せ。それを f\$tsummary と比較せよ。